

Praktische Informatik 2

Manipulation von Mengen

Thomas Röfer

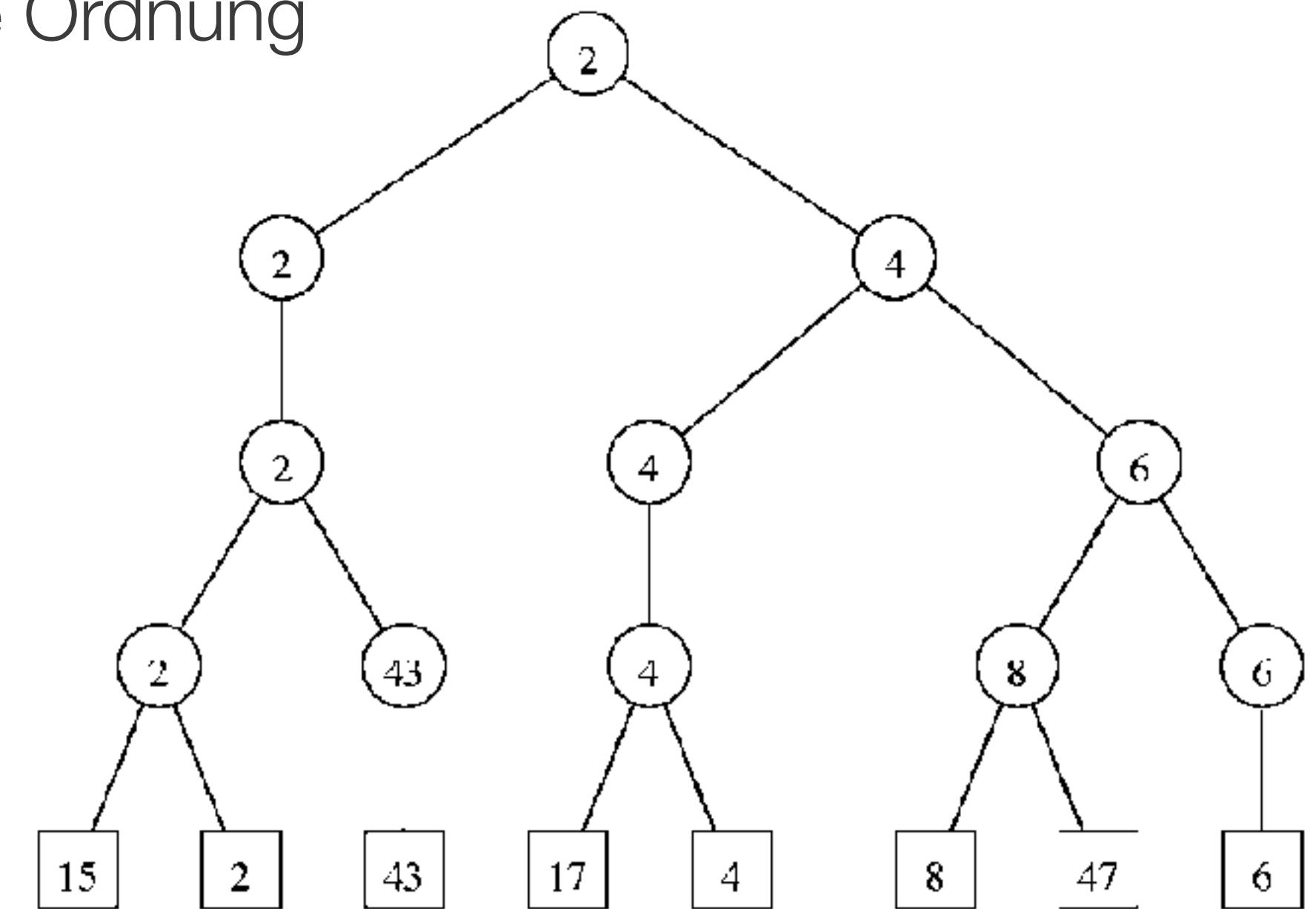
Cyber-Physical Systems
Deutsches Forschungszentrum für
Künstliche Intelligenz

Multisensorische Interaktive Systeme
Fachbereich 3, Universität Bremen



Vorrangwarteschlange

- Als Vorrangwarteschlange (**priority queue**) wird eine Datenstruktur zur Speicherung einer Menge von Elementen bezeichnet, für die eine Ordnung definiert ist, so dass die folgenden Operationen ausführbar sind:
 - Initialisieren einer leeren Struktur
 - Einfügen eines Elements (**insert**)
 - Minimum suchen (**accessMin**)
 - Minimum entfernen (**deleteMin**)
- Können z.B. durch Listen oder balancierte Bäume implementiert werden
- Da Anforderungen geringer, können sie aber effizienter implementiert werden

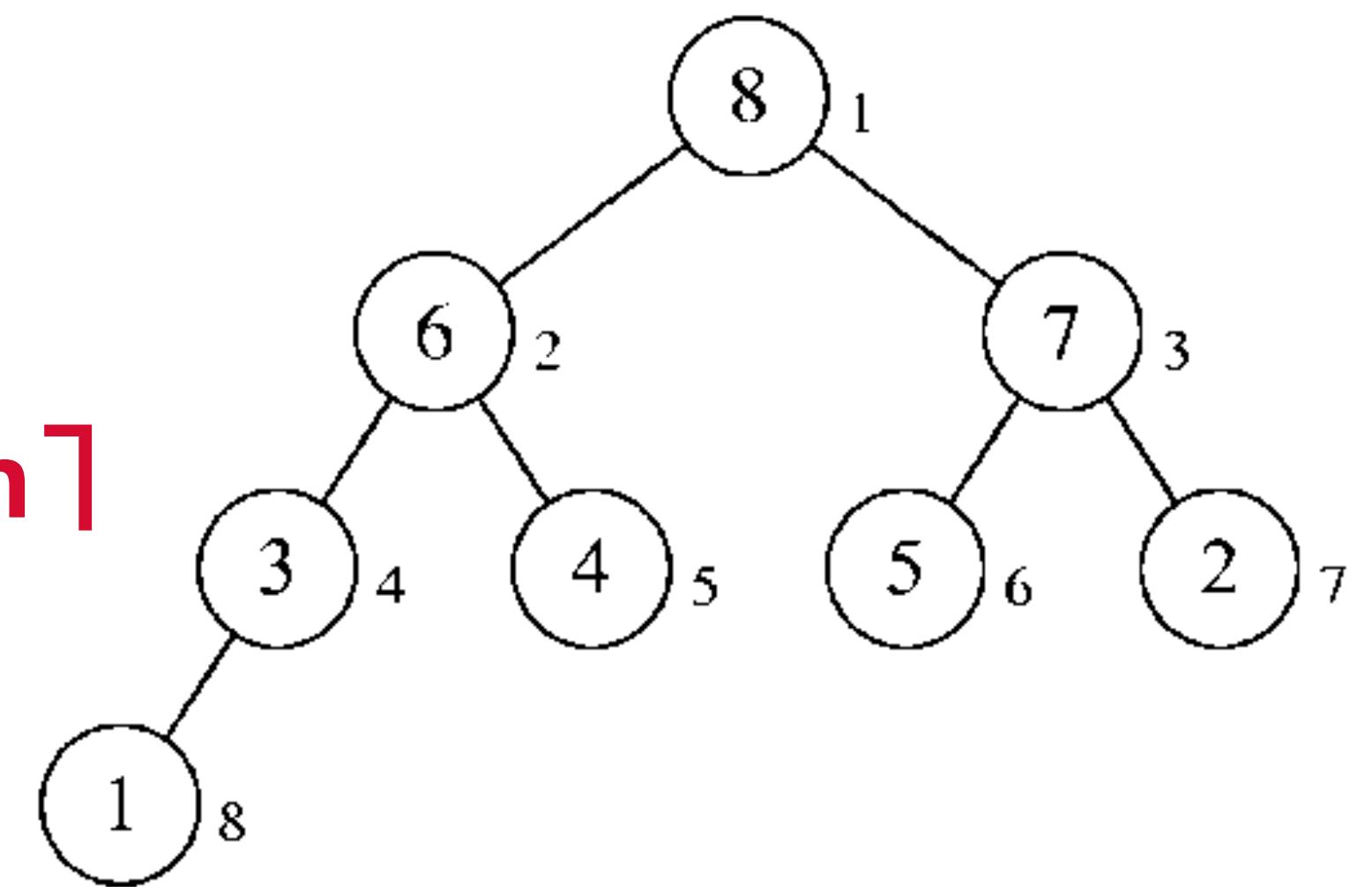


Vorrangwarteschlange

- Balancierte Bäume mit $n+1$ Blättern und n inneren Knoten haben die Eigenschaft, dass jeder Pfad von der Wurzel zu einem Blatt eine Länge der Größenordnung $O(\log n)$ hat
- Für eine Vorrangwarteschlange reicht eine wesentlich schwächere Forderung aus, um sicherzustellen, dass **accessMin** in $O(1)$ und **insert**, **deleteMin** sowie das Verschmelzen zweier Schlangen in $O(\log n)$ ausführbar sind
- Anforderungen
 - Die Schlüsselwerte von Kindern müssen stets größer (oder gleich) sein als der ihres Elternknotens
 - Mindestens ein Blatt mit Tiefe $O(\log n)$

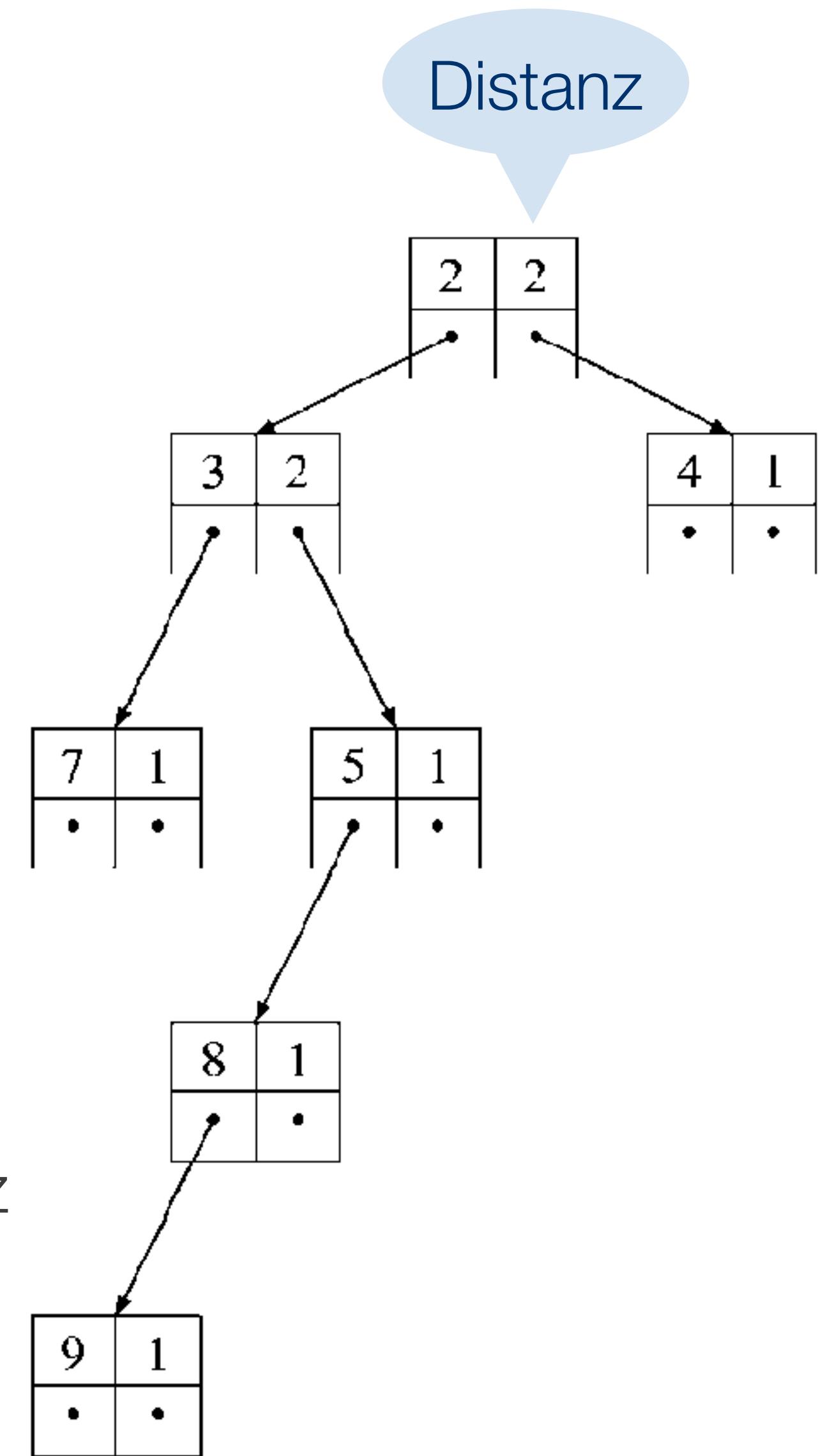
Implementierungen

- **Heap**: In Array gespeicherter Binärbaum mit Höhe $\lceil \log_2 n \rceil$
 - Basisoperation: Versickern
 - Verschmelzen zweier Heaps in **$O(\log n)$** geht aber nicht
- **Linksbaum**: Binärbaum, der eine größere Höhe haben kann
 - Wenn Einfüge- und Verschmelzungsoperationen entlang des kurzen Pfades durchgeführt werden, sind sie aber genauso effizient wie bei balancierten Bäumen
 - Basisoperation: Verschmelzen zweier Bäume



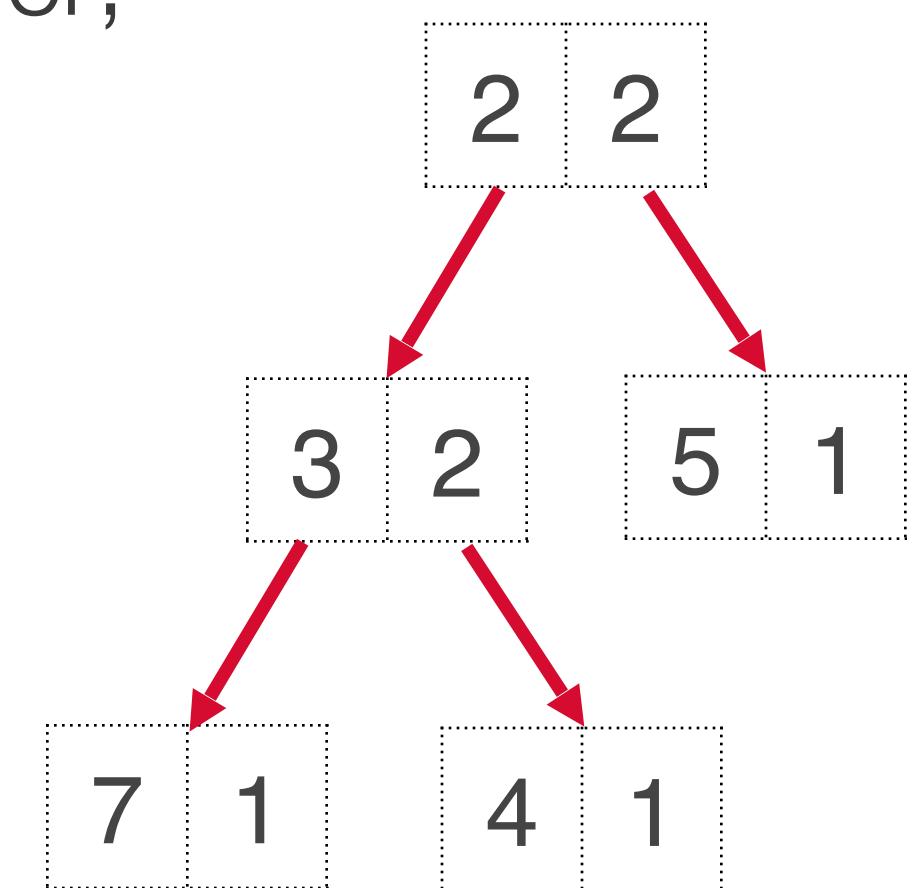
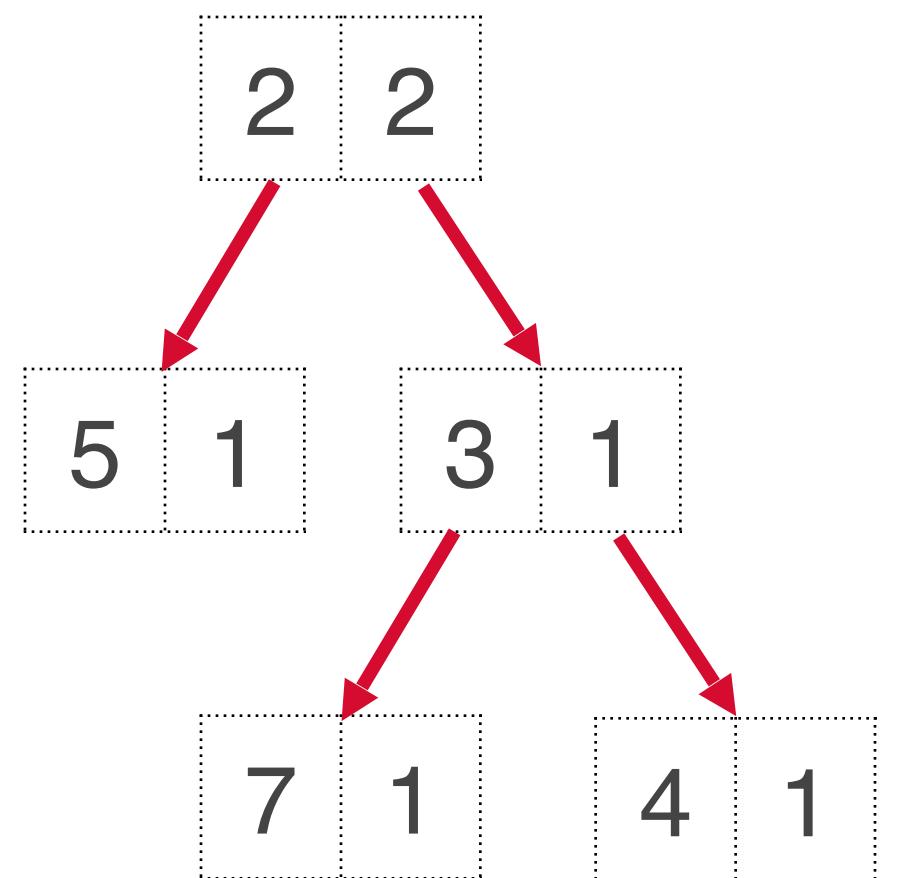
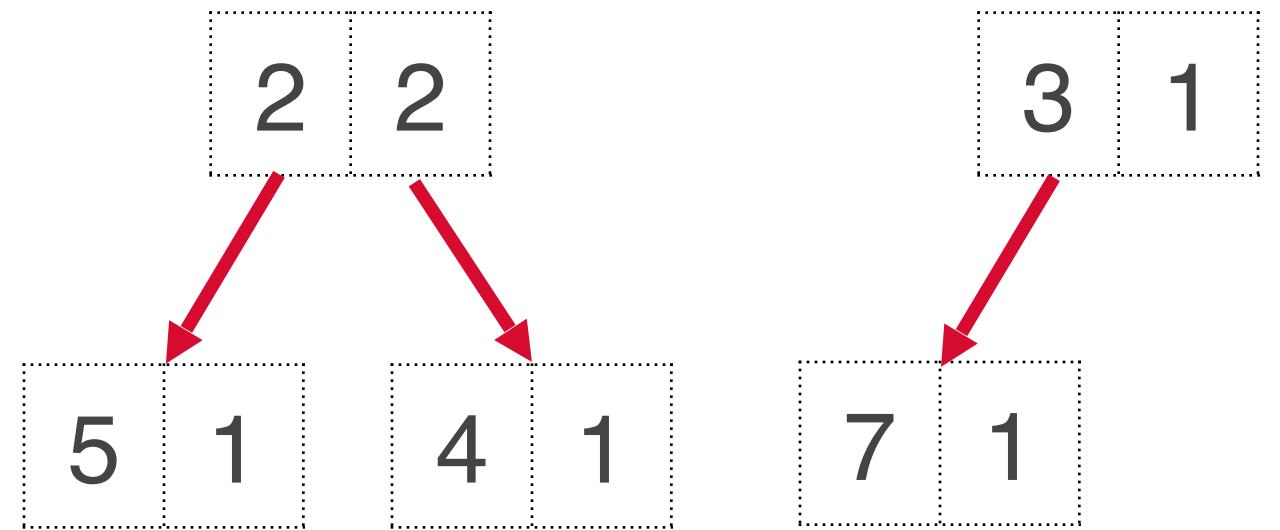
Linksbaum: Anforderungen

- Jeder Knoten speichert Distanz zum nächstgelegenen Blatt
- Der Schlüssel eines Knotens ist immer kleiner oder gleich den Schlüsseln seiner Kinder
- Die Distanz eines Knotens ist um 1 größer als das Minimum der Distanzen seiner beiden Kinder
- **p.distance = 1 + min(p.left.distance, p.right.distance)**
- Distanz des linken Nachfolgers ist immer größer oder gleich der Distanz des rechten Nachfolgers
- **p.left.distance ≥ p.right.distance**

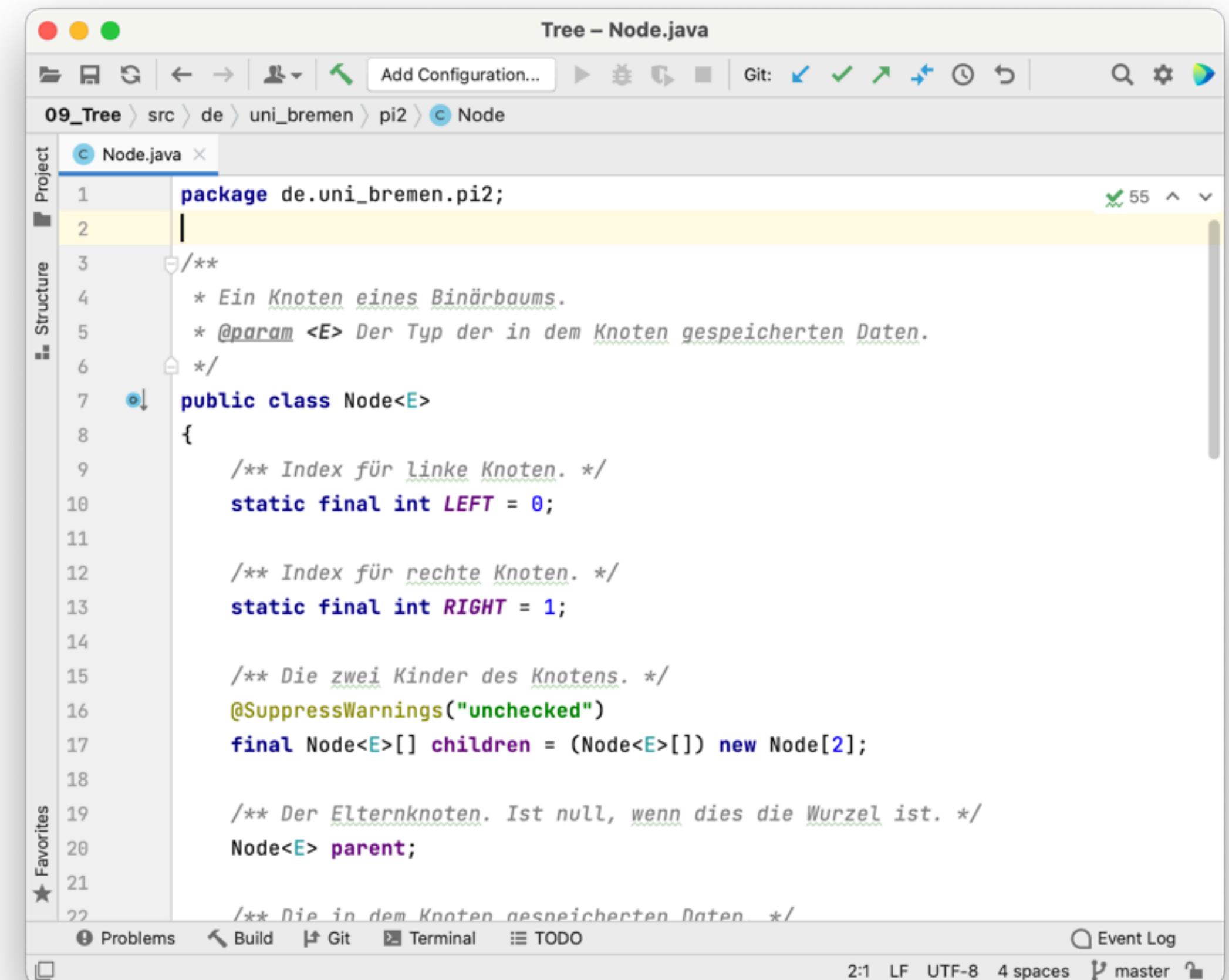


Linksbaum

- **Basisoperation:** Verschmelzen zweier Linksäume
 - Baum mit kleinerem Wert in Wurzel nach oben
 - **Rekursiver Abstieg:** Rechter Teilbaum dieser Wurzel wird mit anderem Teilbaum verschmolzen
 - **Rekursiver Aufstieg:** Teilbäume vertauschen, wenn Distanz rechts größer; Distanz aktualisieren
 - **insert(x):** Erzeuge einen neuen Linksbaum aus **x** und verschmelze den bisherigen Linksbaum mit dem neuen
 - **deleteMin():** Entferne Wurzel und verschmelze die beiden Teilbäume



Links-Baum: Demo

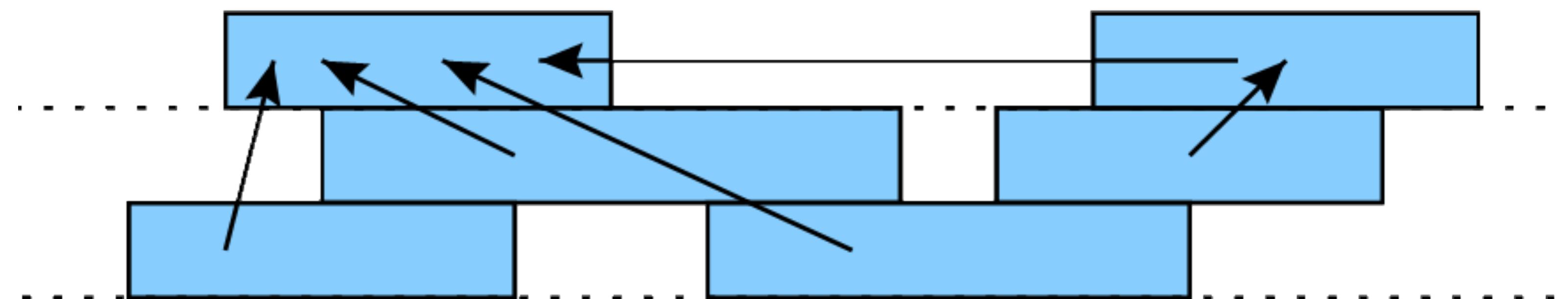
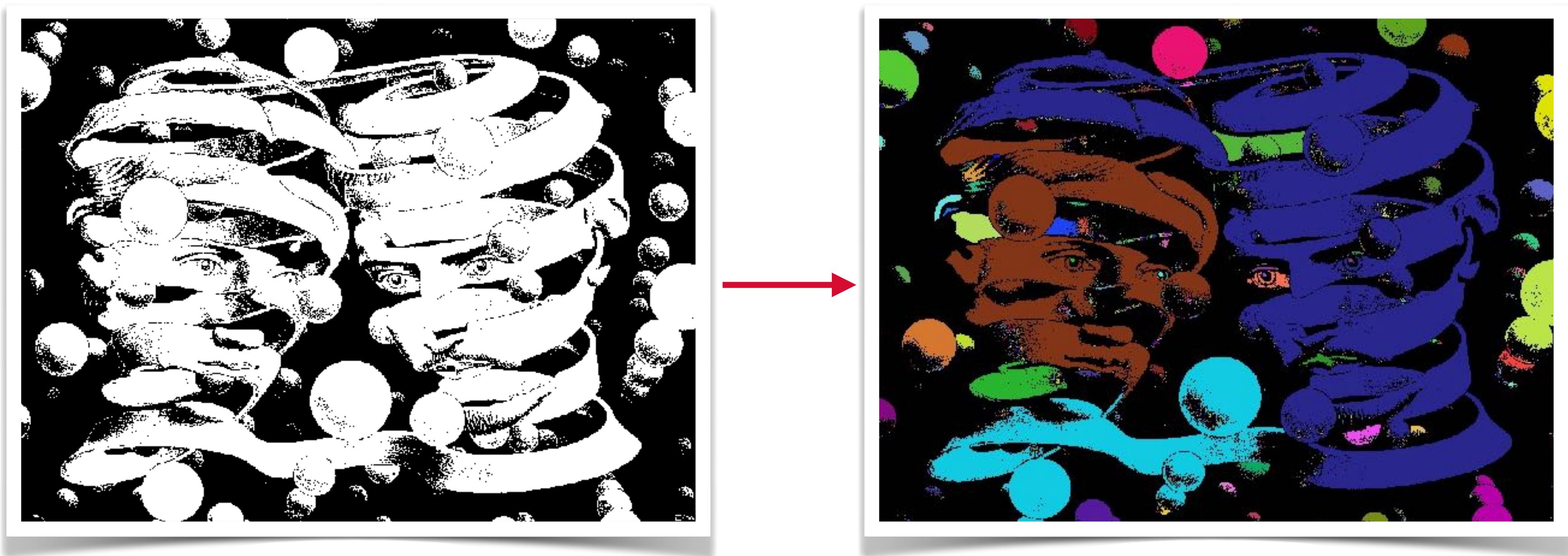


The screenshot shows a Java code editor in an IDE. The title bar says "Tree - Node.java". The file path is "09_Tree > src > de.uni_bremen > pi2 > Node". The code is as follows:

```
1 package de.uni_bremen.pi2;
2
3 /**
4  * Ein Knoten eines Binärbaums.
5  * @param <E> Der Typ der in dem Knoten gespeicherten Daten.
6  */
7 public class Node<E>
8 {
9     /** Index für linke Knoten. */
10    static final int LEFT = 0;
11
12    /** Index für rechte Knoten. */
13    static final int RIGHT = 1;
14
15    /** Die zwei Kinder des Knotens. */
16    @SuppressWarnings("unchecked")
17    final Node<E>[] children = (Node<E>[] ) new Node[2];
18
19    /** Der Elternknoten. Ist null, wenn dies die Wurzel ist. */
20    Node<E> parent;
21
22    /** Die in dem Knoten gespeicherten Daten. */
23}
```

The code editor interface includes a Project view, a Structure view, and a Favorites view. The bottom of the screen shows tabs for Problems, Build, Git, Terminal, TODO, and Event Log, along with status information like "2:1 LF UTF-8 4 spaces" and "master".

Regionen vereinigen: Beispiel



Union-Find-Strukturen

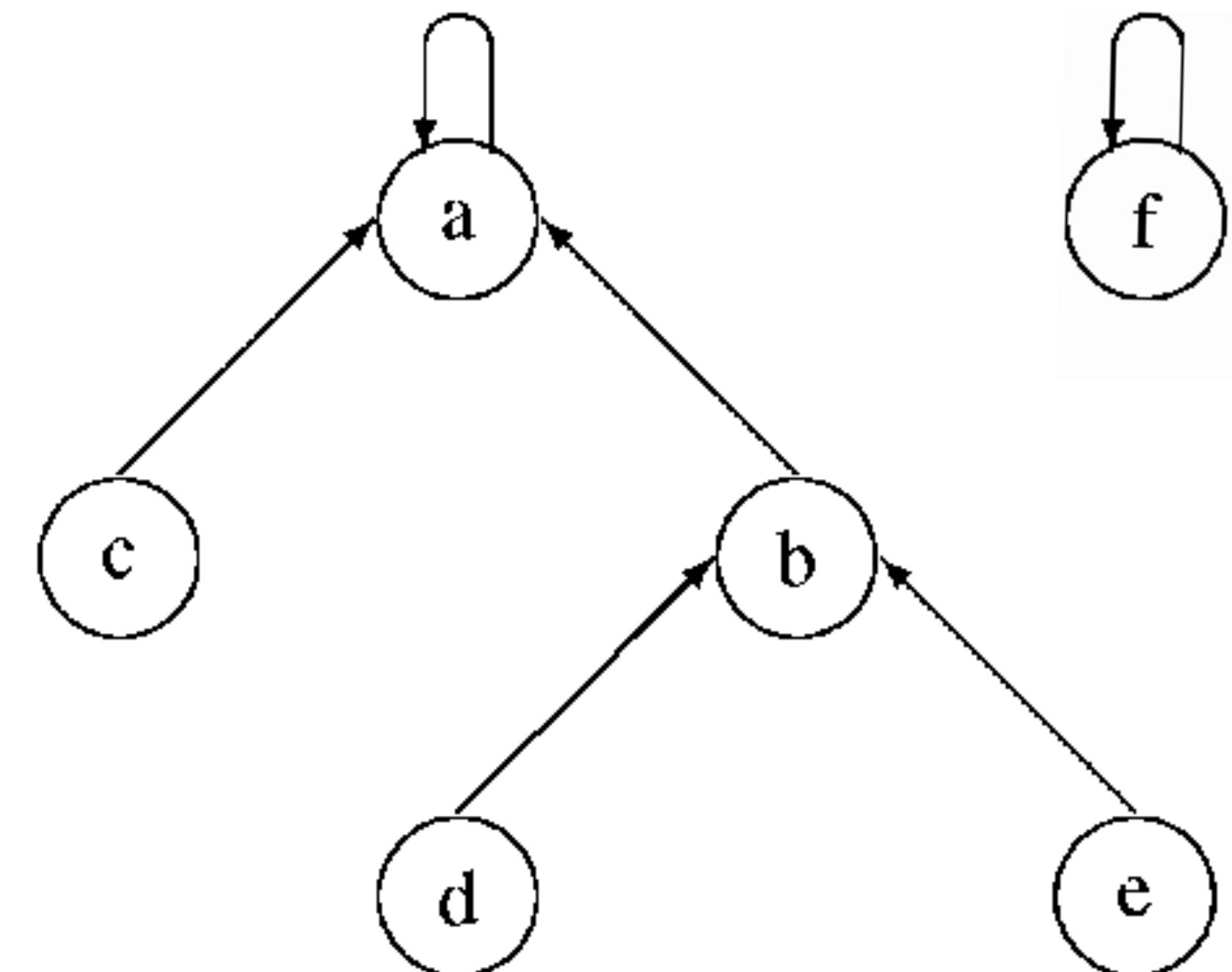
- In vielen Problemstellungen sollen Objekte (z.B. Knoten oder Kanten eines Graphen) in Äquivalenzklassen eingeteilt werden
- Dabei wird mit einer sehr feinen Einteilung begonnen, die durch sukzessive Vereinigung von Mengen vergröbert wird
- **makeSet(*e*, *i*):** Erzeuge eine neue Menge mit Namen ***i*** mit dem einzigen Element ***e***, das in keiner anderen Menge vorkommt
- **find(*x*):** Liefert den Namen der Menge, die ***x*** enthält
- **union(*i*, *j*, *k*):** Vereinigt zwei Mengen mit Namen ***i*** und ***j*** zu einer neuen Menge mit Namen ***k*** (Die Mengen mit Namen ***i*** und ***j*** werden gelöscht)

Kanonisches Element

- Verschiedene Mengen enthalten nur verschiedene Elemente, weshalb jede Menge auch eindeutig durch eines ihrer Elemente repräsentiert werden kann
- Dieses **kanonische Element** kann in einer Menge frei gewählt werden und ihren Namen ersetzen
 - Kanonisches Element von **makeSet(e, i)** ist **e**, also reicht **makeSet(e)**
 - **find(x)** liefert kanonisches Element einer Menge
 - Vereinigung zweier Mengen kann durch kanonisches Element einer der beiden Mengen repräsentiert werden, also reicht **union(e, f)**
- **Union-Find-Problem**: Finden einer Datenstruktur zur Repräsentation von paarweise disjunkten Mengen und Algorithmen für **makeSet**, **find** und **union**

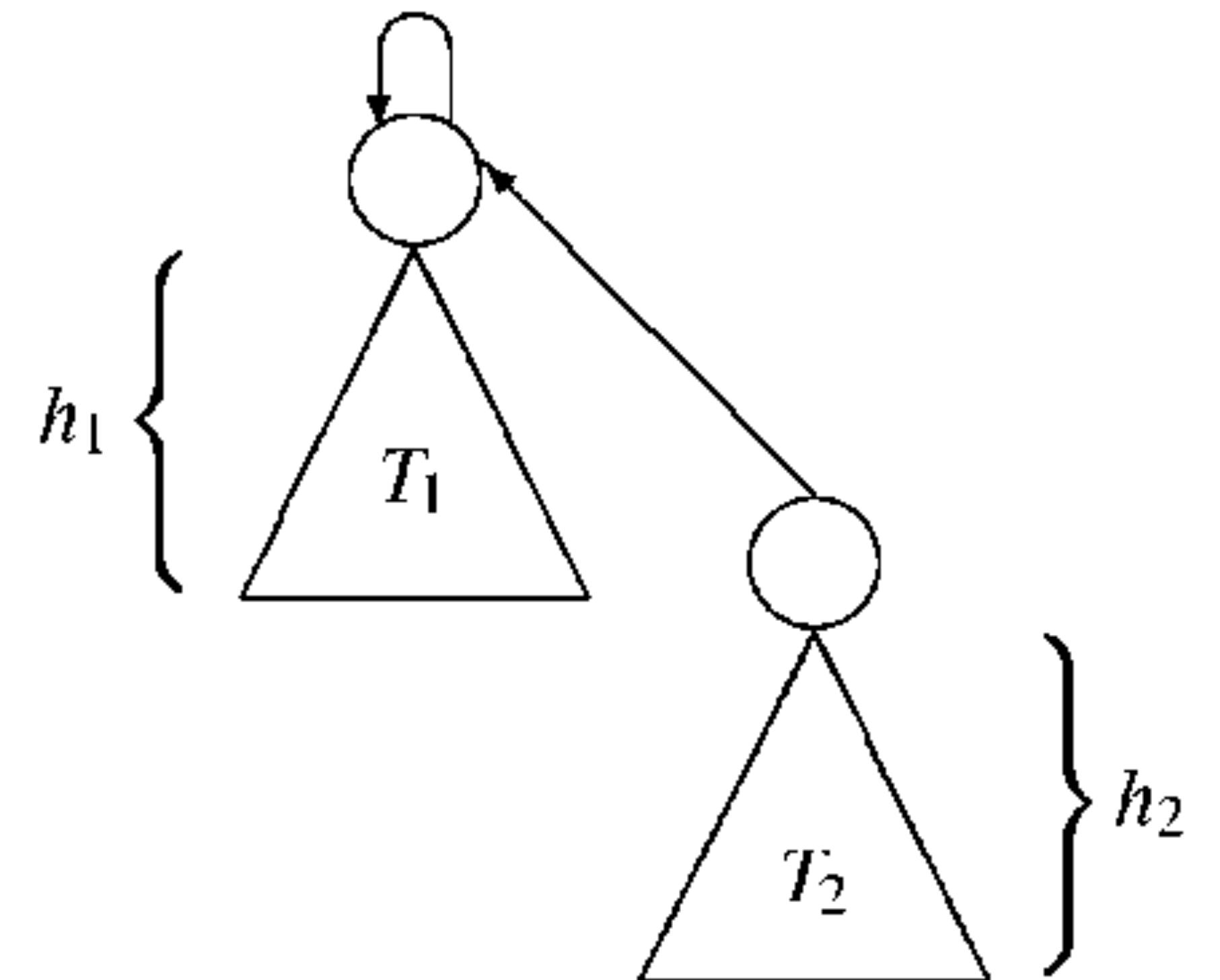
Vereinigung von Mengen: Repräsentation

- Jede Menge der Kollektion wird durch einen unsortierten Baum repräsentiert
- Die Knoten des Baums sind die Elemente der Menge
- Die Wurzel des Baums enthält das kanonische Element
- Jeder Knoten enthält eine Referenz auf seinen Elternknoten, die Wurzel zeigt auf sich selbst

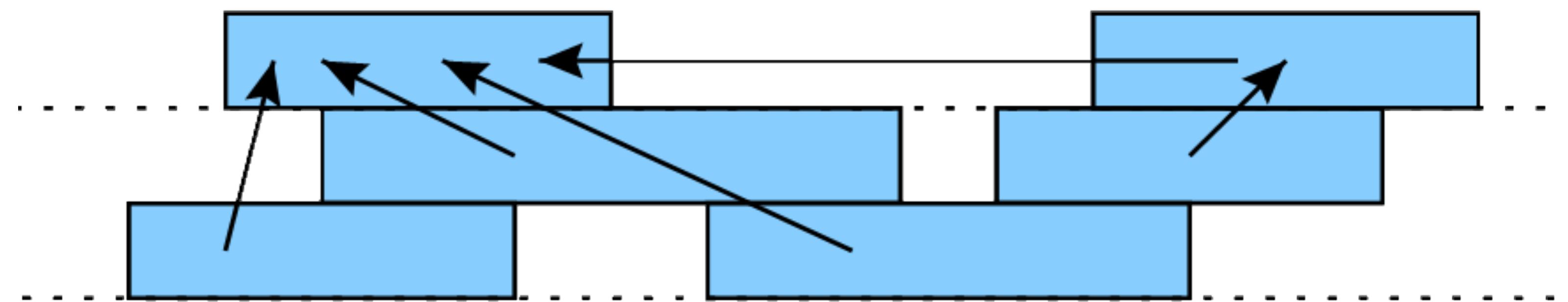
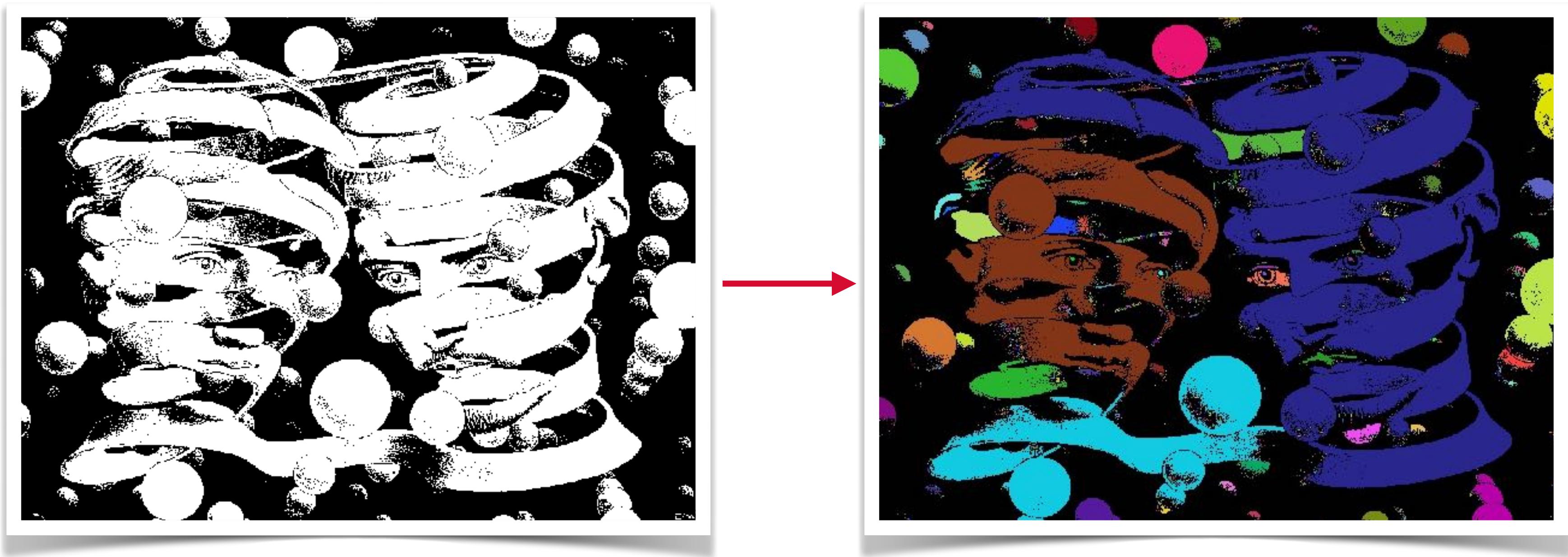


Vereinigung von Mengen

- Hänge die Wurzel (kanonisches Element) des einen Baums an die Wurzel des anderen
- Vereinigung nach Größe bzw. Höhe
 - Vermeidung von degenerierten Bäumen
 - Hänge Baum mit weniger Knoten / geringerer Höhe an die Wurzel des größeren/höheren
- Andere Kriterien sind möglich

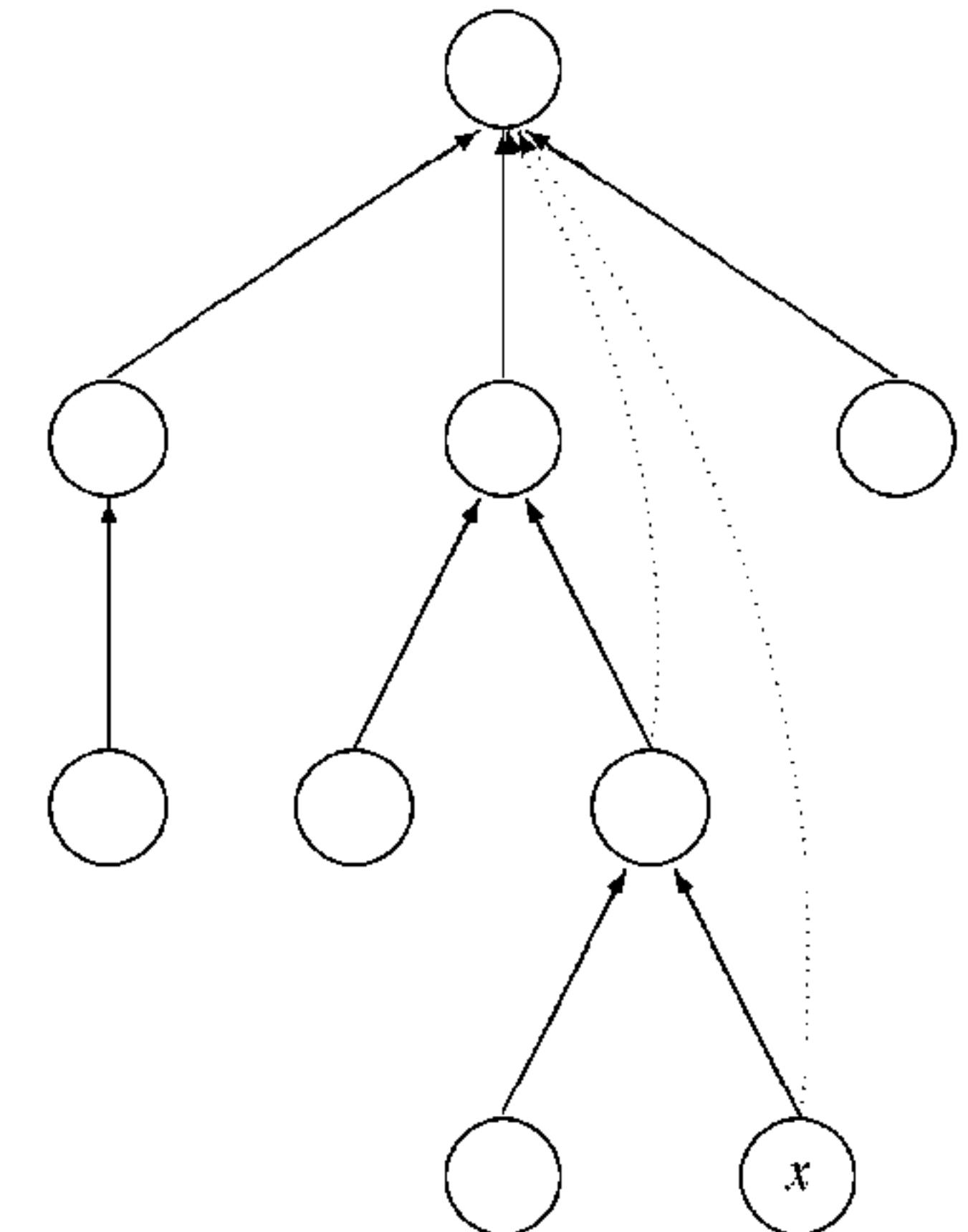


Union-Find-Strukturen: Demo

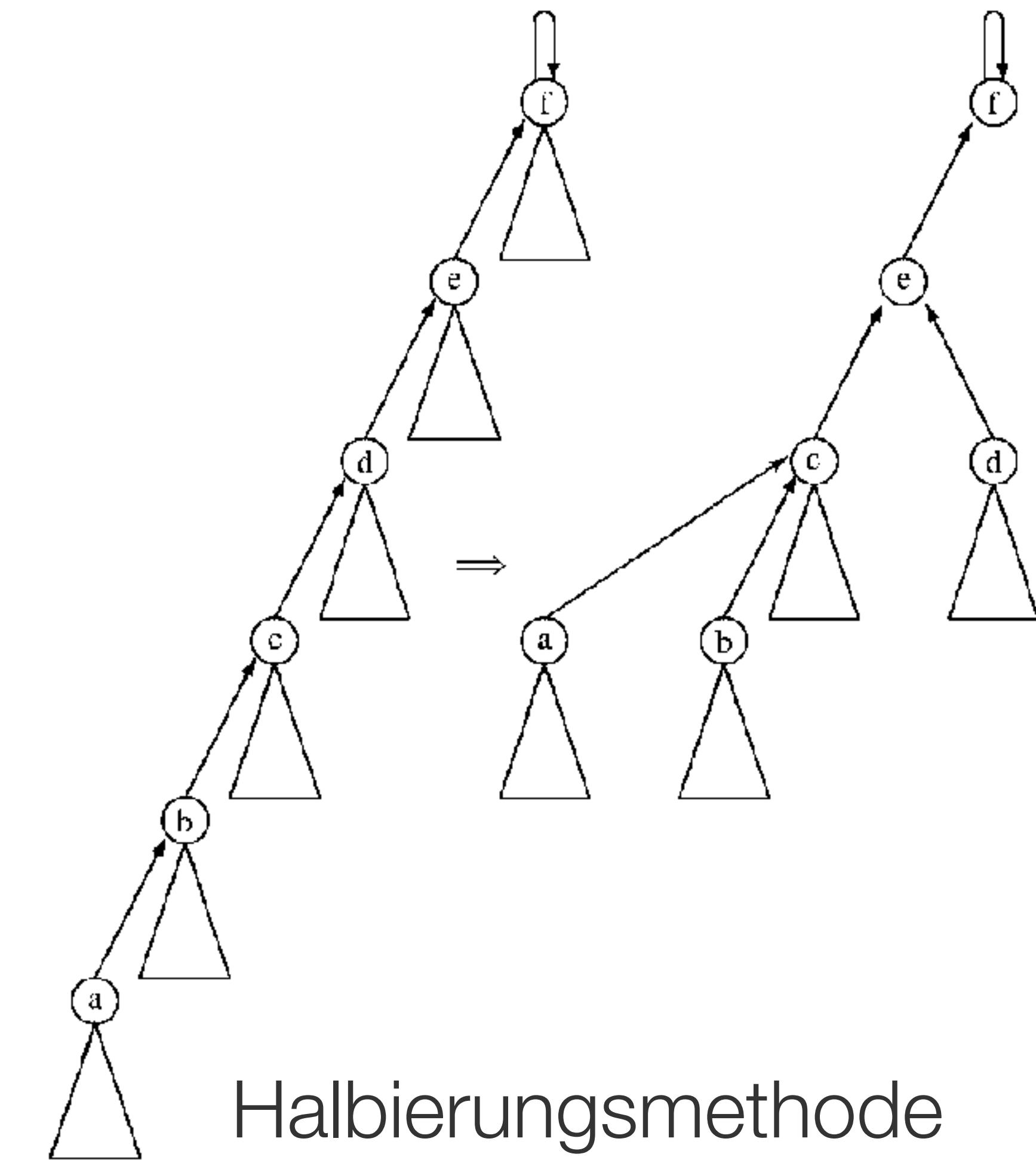
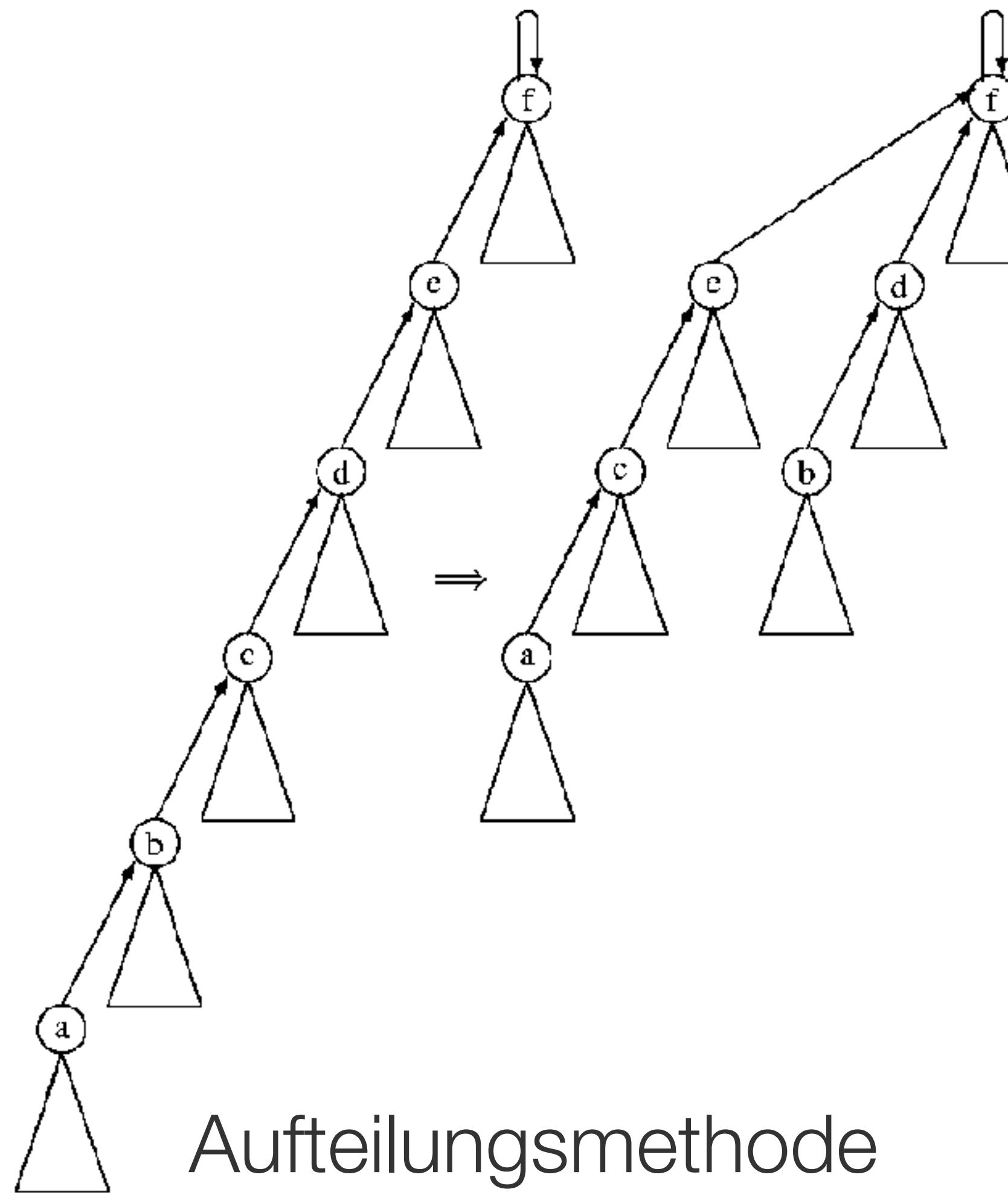


Pfadverkürzung (Pfadkompression)

- Während der Suche wird der Pfad durch Umhängen von Kanten verkürzt, so dass bei der nächsten Suche weniger Kanten durchlaufen werden müssen
- **Aufteilungsmethode (Splitting)**: Verweise so umhängen, dass sie statt auf den Elternknoten auf den Großelternknoten zeigen
- **Halbierungsmethode**: Wie Aufteilungsmethode, aber nur für jeden zweiten Knoten



Pfadverkürzung (Pfadkompression)



Mengenoperationen

- **Motivation:** Wörterbücher, Vorrangwarteschlangen und Union-Find-Strukturen können als Spezialfälle eines Mengenmanipulationsproblems aufgefasst werden

- Kollektion **K** von paarweise disjunkten Mengen

$$K = \{S_{n_1}, \dots, S_{n_t}\}, S_{n_i} \cap S_{n_j} = \emptyset \text{ für } i \neq j$$

- Elemente der Mengen gehören zu einem Universum **U**

$$U \supseteq \bigcup K = \{x \in S \mid S \in K\}$$

- Die Namen der Mengen gehören zu einer Menge **N**

$$N \supseteq \{n_i \mid S_{n_i} \in K\}$$

Mengenoperationen

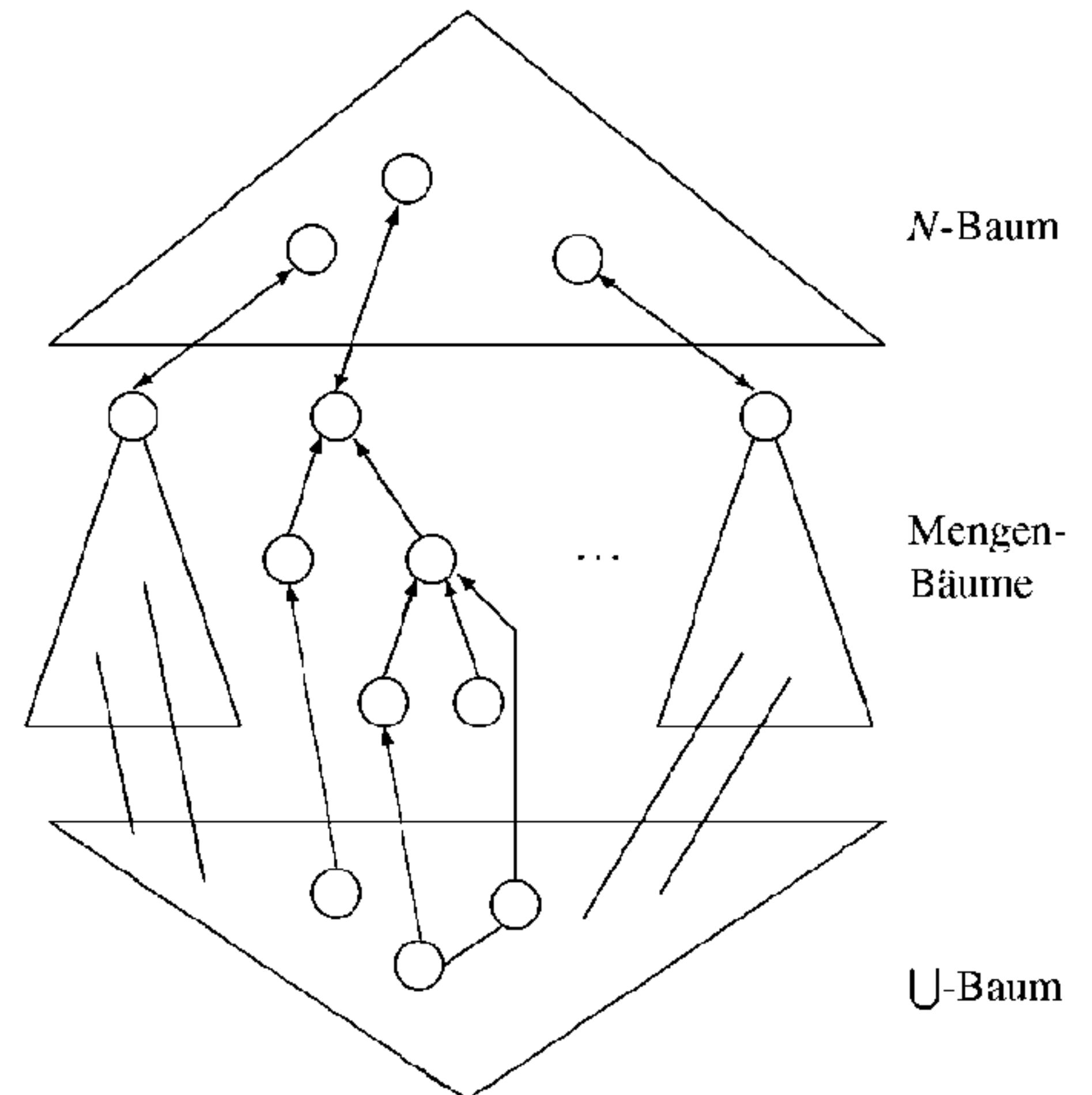
- **makeSet(x, n)**: Bilde eine Menge mit **einzigem** Element **x** und gib ihr den Namen **n**
(**x** und **n** sind neu)
- **search(x, n)**: Suche **x** in der Menge mit Namen **n**
- **insert(x, n)**: Füge **x** in die Menge mit Namen **n** ein (**x** ist neu)
- **delete(x, n)**: Entferne **x** aus der Menge mit Namen **n**
- **find(x)**: Bestimme den Namen der Menge, die **x** enthält
- **union(i, j, k)**: Vereinige die Mengen mit Namen **i** und **j** zu einer Menge mit Namen **k**

Mengenoperationen

- **accessMin(n)**: Bestimme Minimum in der Menge mit Namen **n**
- **deleteMin(n)**: Entferne Minimum aus der Menge mit Namen **n**
- **successor(x, n)**: Bestimme das zu **x** nächst größere Element in der Menge mit Namen **n**
- **predecessor(x, n)**: Bestimme das zu **x** nächst kleinere Element in der Menge mit Namen **n**
- **kthElement(k)**: Bestimme das **k**-größte Element in **uK**

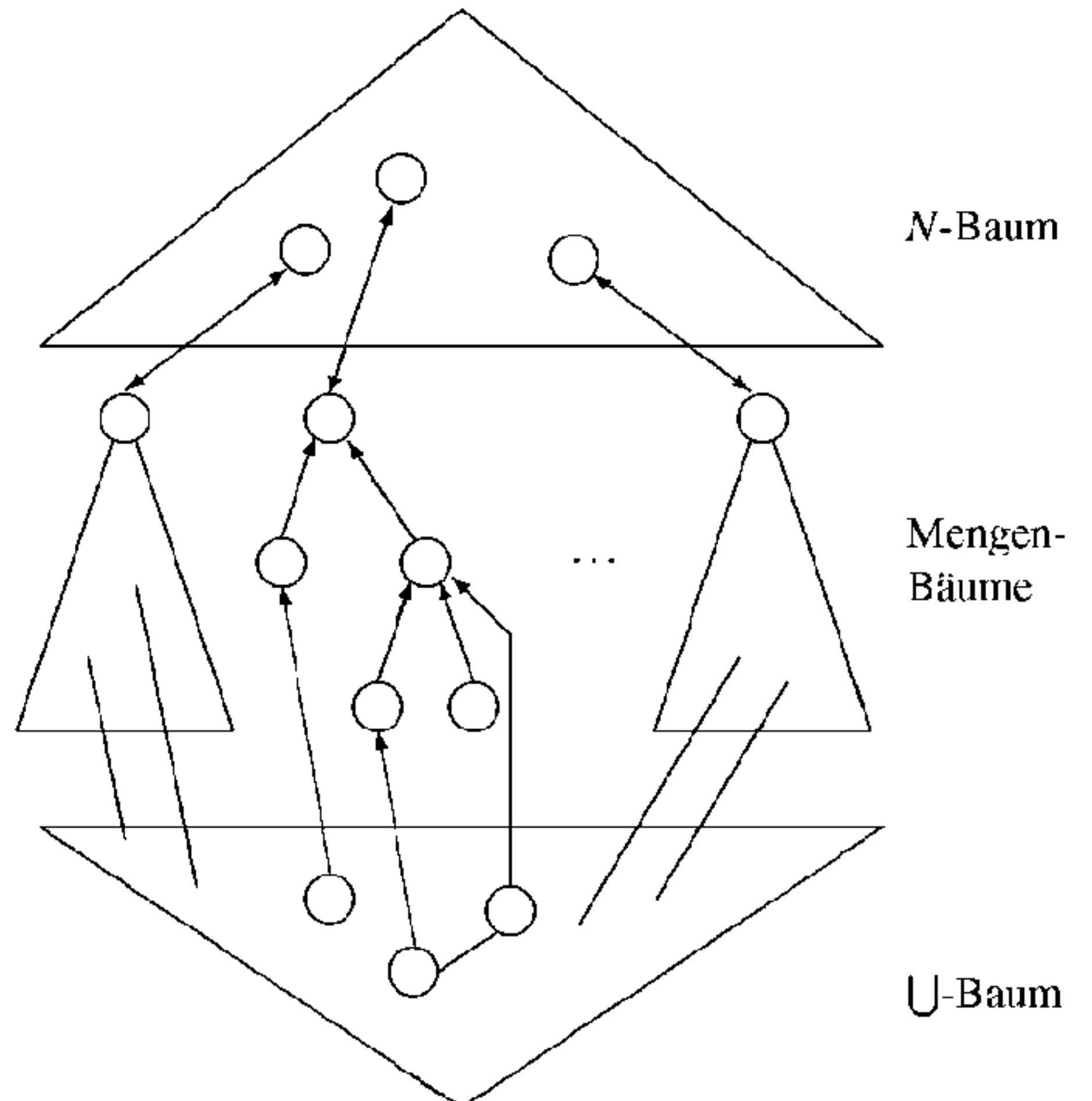
Modellierung: N-Baum

- Die Menge aller Namen von Mengenbäumen ist in einem balancierten, sortierten Baum gespeichert
- Die Wurzel jedes Mengenbaums ist durch Referenzen in beide Richtungen mit seinem Namen im N-Baum verbunden



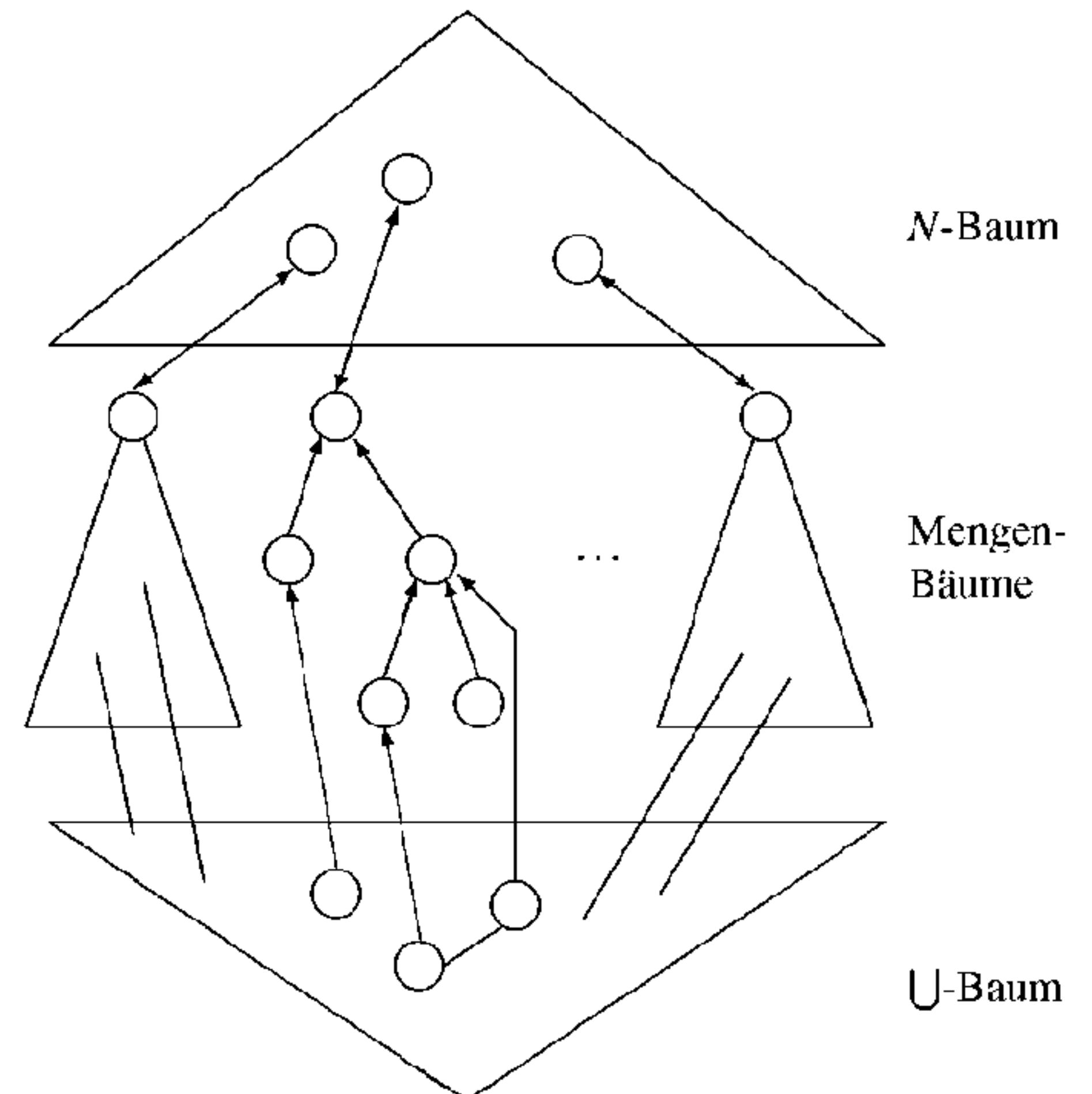
Modellierung: U-Baum

- $uK \subseteq U$ durch balancierten, sortierten Binärbaum repräsentieren
- Soll die Operation k -tes Element unterstützt werden, enthält jeder Knoten p im Baum einen Zähler $z(p)$ darüber, wie viele Schlüssel im Teilbaum mit Wurzel p enthalten sind



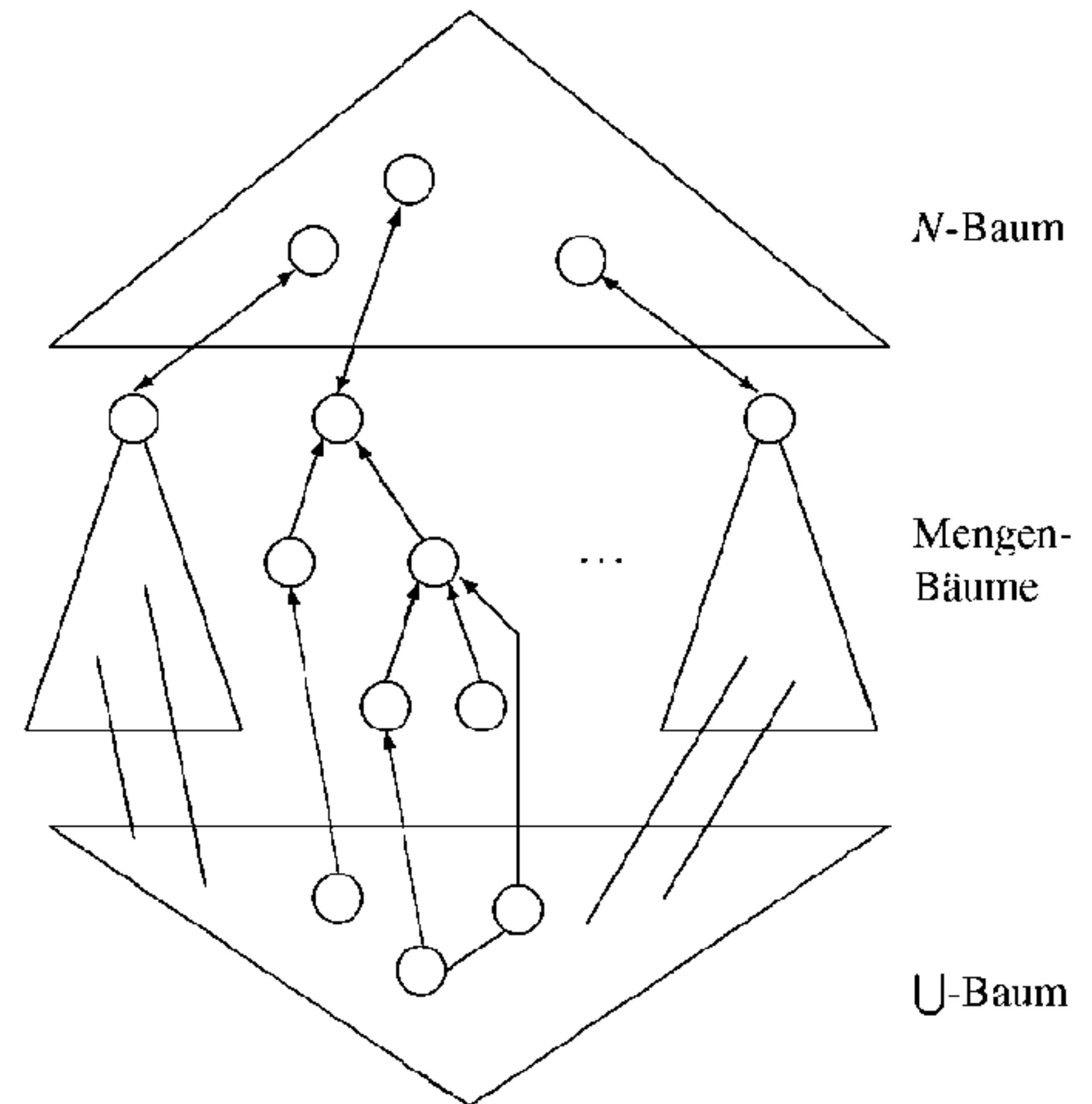
Modellierung: Mengenbäume

- Jede Menge S_i der Kollektion K durch einen nicht-sortierten Mengenbaum darstellen
 - **Heap-geordnet**, falls **accessMin** unterstützt wird
- Der Knoten x im U-Baum ist durch eine Referenz mit dem Knoten x im Mengenbaum S_i verbunden, wenn $x \in S_i$



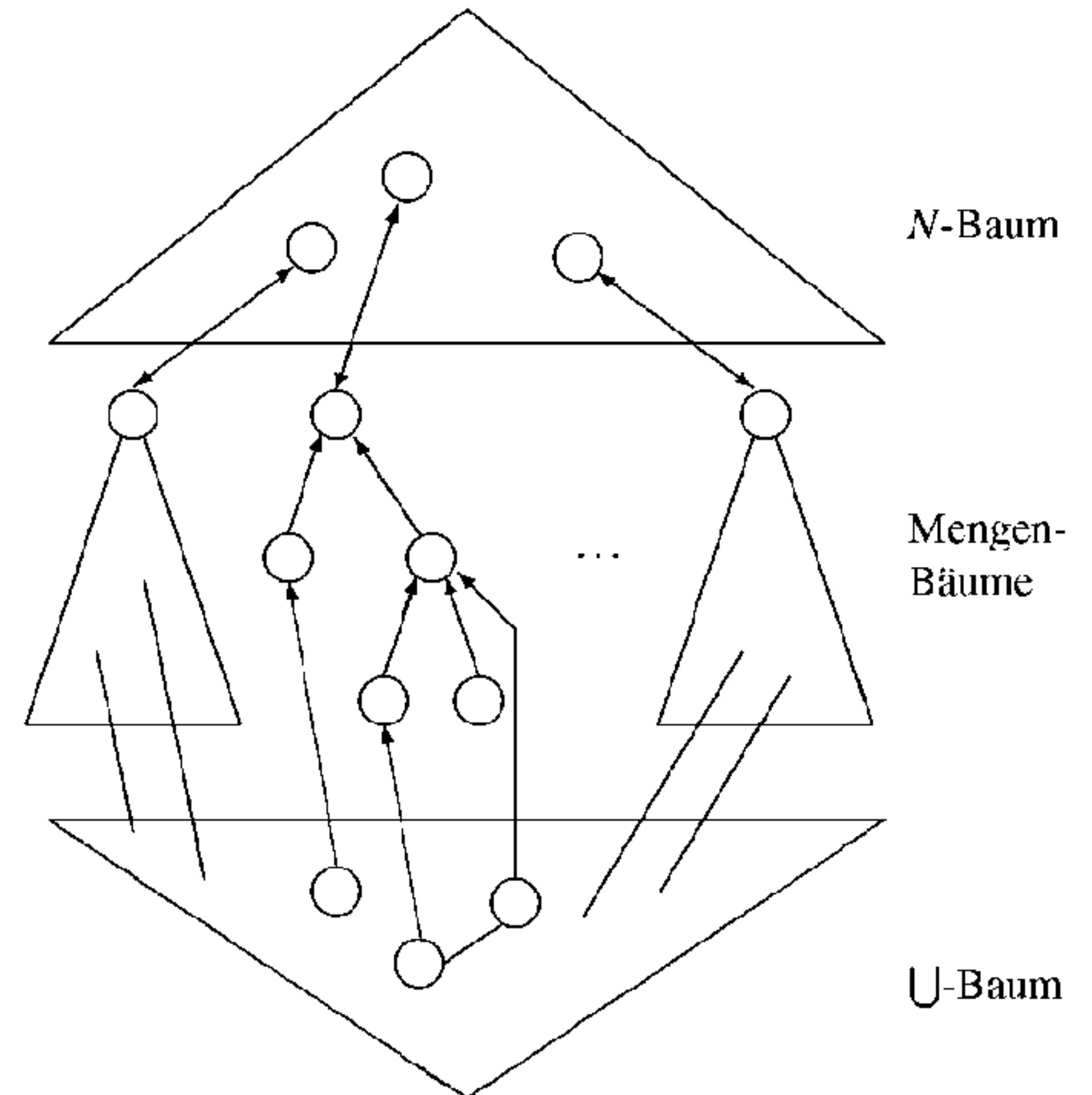
Umsetzung der Operationen

- **find(x)**: Jeder Knoten eines Mengenbaums zeigt auf seinen Elternknoten
 - **x** im U-Baum finden, von dort in den Mengenbaum wechseln, der **x** enthält, dann hoch zur Wurzel
- **accessMin(n), deleteMin(n)**: Mengenbäume sind Heap-geordnet
- **union(i, j, k)**: Falls Vereinigung nach Größe oder Höhe, dann muss diese Größe in der Wurzel der Mengenbäume mitgeführt werden



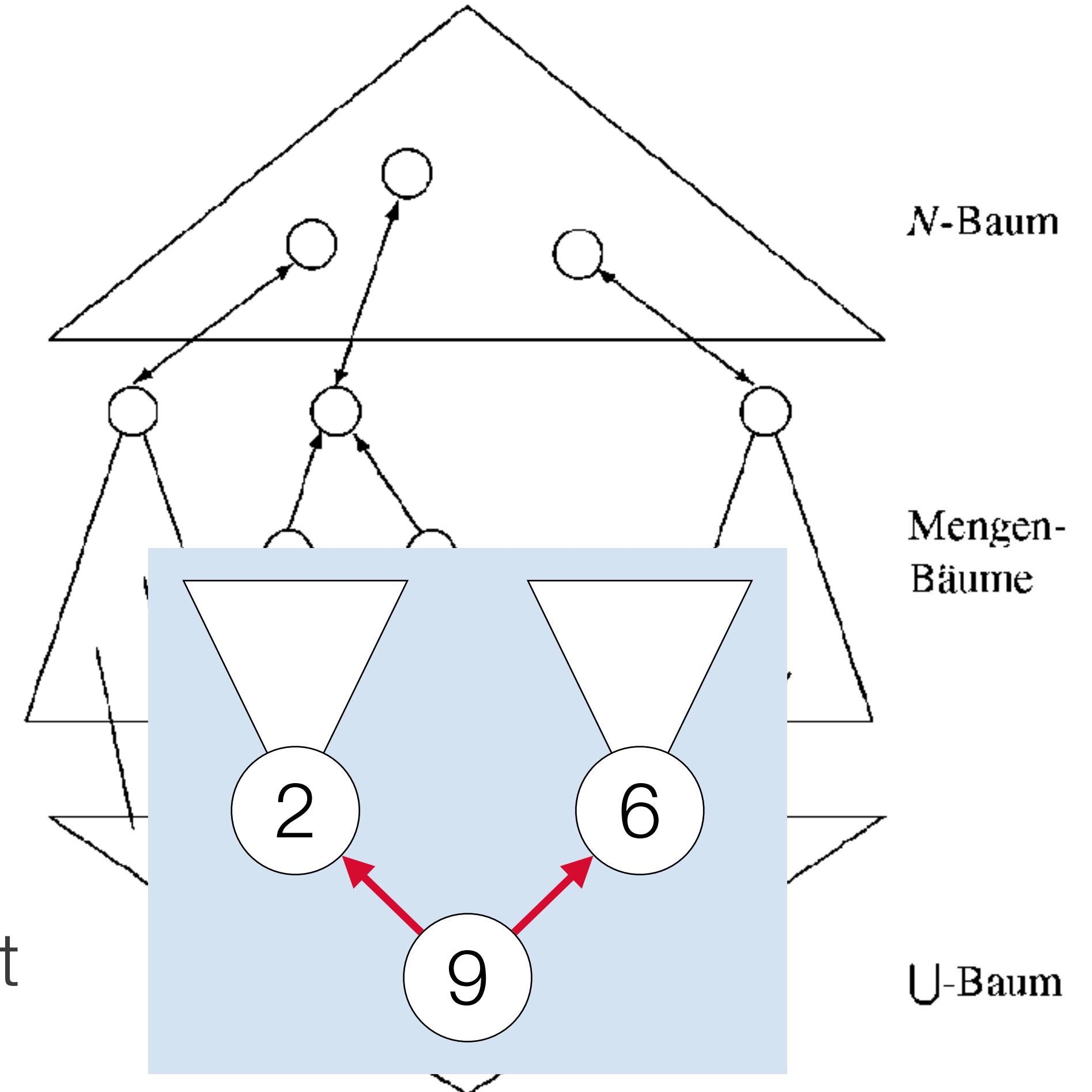
Umsetzung der Operationen

- **insert(x, i)**: Füge x in U-Baum ein
 - Suche i im N-Baum
 - Folge Referenz zur Wurzel des S_i -Baums
 - Füge x in S_i -Baum ein
- **delete(x, i)**: **find(x)**
 - Wenn der gefundene Mengenbaum tatsächlich i heißt, dann entferne x aus S_i und dem U-Baum



Umsetzung der Operationen: **kthElement(k)**

- Beginne bei Wurzel **p** des U-Baums
- Falls **$z(p) < k$** , dann gibt es kein **k**-tes Element im U-Baum
- Falls **$k = z(left(p)) + 1$** , dann enthält **p** das **k**-te Element
- Falls **$k \leq z(left(p))$** , dann suche in **links(p)** weiter
- Ansonsten suche das **$(k - z(left(p)) - 1)$** -te Element in **right(p)**



Zusammenfassung der Konzepte

- **Linksbaum**
- **Union-Find-Strukturen**
 - **Pfadverkürzung**
- **Mengenoperationen**